

著書

なし

総説

1. Niinuma T, Suzuki H, Sugai T. Molecular characterization and pathogenesis of gastrointestinal stromal tumor. **Transl Gastroenterol Hepatol.** 3:2, 2018.
2. 山本英一郎, 鈴木拓. 【大腸癌のトピックス】 大腸癌の分子腫瘍発生理論 最新の分子腫瘍仮説の意義. **病理と臨床** 36: 1048-1051.

原著

1. Ishiguro K, Kitajima H, Niinuma T, Ishida T, Maruyama R, Ikeda H, Hayashi T, Sasaki H, Wakasugi H, Nishiyama K, Shindo T, Yamamoto E, Kai M, Sasaki Y, Tokino T, Nakase H, Suzuki H. DOT1L inhibition blocks multiple myeloma cell proliferation by suppressing IRF4-MYC signaling. **Haematologica.** 2018 [Epub ahead of print]
2. Sugai T, Uesugi N, Kitada Y, Yamada N, Osakabe M, Eizuka M, Sugimoto R, Fujita Y, Kawasaki K, Yamamoto E, Yamano H, Suzuki H, Matsumoto T. Analysis of the expression of cancer-associated fibroblast- and EMT-related proteins in submucosal invasive colorectal cancer. **J Cancer.** 9:2702-2712, 2018.
3. Nishiyama K, Maruyama R, Niinuma T, Kai M, Kitajima H, Toyota M, Hatanaka Y, Igarashi T, Kobayashi JI, Ogi K, Dehari H, Miyazaki A, Yoroze A, Yamamoto E, Idogawa M, Sasaki Y, Sugai T, Tokino T, Hiratsuka H, Suzuki H. Screening for long noncoding RNAs associated with oral squamous cell carcinoma reveals the potentially oncogenic actions of DLEU1. **Cell Death Dis.** 9:826, 2018.
4. Wakasugi H, Takahashi H, Niinuma T, Kitajima H, Oikawa R, Matsumoto N, Takeba Y, Otsubo T, Takagi M, Ariizumi Y, Suzuki M, Okuse C, Iwabuchi S, Nakano M, Akutsu N, Kang JH, Matsui T, Yamada N, Sasaki H, Yamamoto E, Kai M, Sasaki Y, Sasaki S, Tanaka Y, Yotsuyanagi H, Tsutsumi T, Yamamoto H, Tokino T, Nakase H, Suzuki H, Itoh F. Dysregulation of miRNA in chronic hepatitis B is associated with hepatocellular carcinoma risk after nucleos(t)ide analogue treatment. **Cancer Lett.** 434:91-100, 2018.
5. Sugai T, Eizuka M, Fujita Y, Kawasaki K, Yamamoto E, Ishida K, Yamano H, Suzuki H, Matsumoto T. Molecular Profiling Based on KRAS/BRAF Mutation, Methylation, and Microsatellite Statuses in Serrated Lesions. **Dig Dis Sci.** 63:2626-2638, 2018.
6. Harada T, Yamamoto E, Yamano HO, Aoki H, Matsushita HO, Yoshikawa K, Takagi R,

- Harada E, Tanaka Y, Yoshida Y, Eizuka M, Yorozu A, Sudo G, Kitajima H, Niinuma T, Kai M, Sasaki Y, Tokino T, Sugai T, Nakase H, Suzuki H. Surface microstructures are associated with mutational intratumoral heterogeneity in colorectal tumors. **J Gastroenterol.** 53:1241-1252, 2018.
7. Ishigami K, Nosho K, Koide H, Kanno S, Mitsuhashi K, Igarashi H, Shitani M, Motoya M, Kimura Y, Hasegawa T, Kaneto H, Takemasa I, Suzuki H, Nakase H. MicroRNA-31 Reflects IL-6 Expression in Cancer Tissue and is Related with Poor Prognosis in Bile Duct Cancer. **Carcinogenesis.** 39:1127-1134, 2018.
 8. Shindo T, Niinuma T, Nishiyama N, Shinkai N, Kitajima H, Kai M, Maruyama R, Tokino T, Masumori N, Suzuki H. Epigenetic silencing of miR-200b is associated with cisplatin resistance in bladder cancer. **Oncotarget.** 9:24457-24469, 2018.
 9. Sugai T, Eizuka M, Habano W, Fujita Y, Sato A, Sugimoto R, Otsuka K, Yamamoto E, Matsumoto T, Suzuki H. Comprehensive molecular analysis based on somatic copy number alterations in intramucosal colorectal neoplasias and early invasive colorectal cancers. **Oncotarget.** 9:22895-22906, 2018.
 10. Aoki H, Yamamoto E, Yamano HO, Sugai T, Kimura T, Tanaka Y, Matsushita HO, Yoshikawa K, Takagi R, Harada E, Nakaoka M, Yoshida Y, Harada T, Sudo G, Eizuka M, Yorozu A, Kitajima H, Niinuma T, Kai M, Nojima M, Suzuki H, Nakase H. Subtypes of the Type II Pit Pattern Reflect Distinct Molecular Subclasses in the Serrated Neoplastic Pathway. **Dig Dis Sci.** 63:1920-1928, 2018.
 11. Miyagawa Y, Matsushita Y, Suzuki H, Komatsu M, Yoshimaru T, Kimura R, Yanai A, Honda J, Tangoku A, Sasa M, Miyoshi Y, Katagiri T. Frequent downregulation of LRRC26 by epigenetic alterations is involved in the malignant progression of triple-negative breast cancer. **Int J Oncol.** 2018. [Epub ahead of print]
 12. Sugai T, Eizuka M, Arakawa N, Osakabe M, Habano W, Fujita Y, Yamamoto E, Yamano H, Endoh M, Matsumoto T, Suzuki H. Molecular profiling and comprehensive genome-wide analysis of somatic copy number alterations in gastric intramucosal neoplasias based on microsatellite status. **Gastric Cancer.** 21:765-775, 2018.
 13. Sugai T, Takahashi Y, Eizuka M, Sugimoto R, Fujita Y, Habano W, Otsuka K, Sasaki A, Yamamoto E, Matsumoto T, Suzuki H. Molecular profiling and genome-wide analysis based on somatic copy number alterations in advanced colorectal cancers. **Mol Carcinog.** 57:451-461, 2018.
 14. Shindo T, Shimizu T, Nojima M, Niinuma T, Maruyama R, Kitajima H, Kai M, Itoh N, Suzuki H, Masumori N. Evaluation of Urinary DNA Methylation as a Marker for Recurrent Bladder Cancer: A 2-Center Prospective Study. **Urology.** 113:71-78, 2018.

学会発表

(国際学会)

1. Suzuki H, Niinuma T, Ishiguro K, Kai M, Kitajima H, Yamamoto E. UHRF1 depletion and HDAC inhibition synergistically reactivate epigenetically silenced genes in colorectal cancer cells. An AACR Special Conference on Targeting DNA Methylation and Chromatin for Cancer Therapy. March 1-4, 2018, Atlanta, USA.
2. Ishiguro K, Kitajima H, Niinuma T, Maruyama R, Ikeda H, Hayashi T, Ishida T, Sasaki H, Wakasugi H, Nishiyama K, Shindo T, Kai M, Sasaki Y, Tokino T, Nakase H, Suzuki H. The histone methyltransferase DOT1L is a potential therapeutic target in multiple myeloma. An AACR Special Conference on Targeting DNA Methylation and Chromatin for Cancer Therapy. March 1-4, 2018, Atlanta, USA.
3. Yamamoto E, Yorozu A, Aoki H, Suzuki H. Identification of novel therapeutic targets in the tumor microenvironment of colorectal cancer. UEG Week 2018. October 20-24, Vienna, Austria.
4. Sawada T, Nakanishi H, Kaizaki Y, Sasaki Y, Yamamoto E, Aoki H, Eizuka M, Takahashi N, Hasatani K, Kubota E, Kataoka H, Ota R, Yanase Y, Inagaki S, Yamada S, Minamoto T, Suzuki H, Sugai T. Integrative analysis of gene mutations and DNA methylation in colorectal serrated lesions. UEG Week 2018. October 20-24, Vienna, Austria.
5. Aoki H, Yamamoto E, Yamano HO, Matsushita HO, Yoshikawa K, Harada E, Tanaka Y, Harada T, Sugai T, Suzuki H. Endoscopic and molecular characteristics during the development of traditional serrated adenoma. UEG Week 2018. October 20-24, Vienna, Austria.

(国内学会)

1. 鈴木拓, 山本英一郎, 青木敬則, 原田拓, 山野泰穂, 仲瀬裕志, 菅井有. 消化管内視鏡と分子病理像の統合解析による大腸がん発症・進展機構の解析. 第14回日本消化管学会総会学術集会. 2018年2月9~10日, 東京.
2. 鈴木拓, 新沼猛, 北嶋洋志, 山本英一郎, 甲斐正広, 高橋秀明, 伊東文生. がんの non-coding RNA 異常およびエピゲノム異常の解析とその応用. 第69回日本電気泳動学会総会. 2018年8月8~9日, 相模原.
3. 新沼猛, 若杉英樹, 北嶋洋志, 山本英一郎, 甲斐正広, 鈴木拓. miRNA 発現異常は慢性 B 型肝炎における核酸アナログ投与後発癌リスクと相関する. 第12回日本エピジェネティクス研究会年会. 2018年5月24~25日, 札幌.
4. 北嶋洋志, 丸山玲緒, 山本英一郎, 新沼猛, 甲斐正広, 時野隆至, 仲瀬裕志, 鈴木拓. 胃がん関連長鎖 non-coding RNA の同定と機能解析. 第12回日本エピジェネティクス研究会年会. 2018年5月24~25日, 札幌.

5. 鈴木拓, 新沼猛, 北嶋洋志, 石黒一也, 山本英一郎, 甲斐正広, UHRF1 と HDAC の阻害は大腸がん細胞においてエピジェネティックにサイレンシングされた遺伝子の発現を回復させる. 第 12 回日本エピジェネティクス研究会年会. 2018 年 5 月 24~25 日, 札幌.
6. 山本英一郎, 青木敬則, 北嶋洋志, 新沼猛, 甲斐正広, 鈴木拓. 大腸鋸歯状腺腫における SMOC1 のエピジェネティクス異常と臨床病理学的意義. 第 12 回日本エピジェネティクス研究会年会. 2018 年 5 月 24~25 日, 札幌.
7. 甲斐正広, 山本英一郎, 新沼猛, 北嶋洋志, 石黒一也, 鈴木拓. 大腸がんにおける Diacylglycerol kinase gamma のエピジェネティックな不活性化. 第 12 回日本エピジェネティクス研究会年会. 2018 年 5 月 24~25 日, 札幌.
8. 鈴木拓, 若杉英樹, 高橋秀明, 佐々木基, 新沼猛, 北嶋洋志, 山本英一郎, 甲斐正広, 仲瀬裕志, 伊東文生. miRNA 発現異常は慢性 B 型肝炎における核酸アナログ投与後発癌リスクと相関する. 第 38 回日本分子腫瘍マーカー研究会. 2018 年 9 月 26 日, 大阪.
9. 鈴木拓, 高橋秀明, 若杉英樹, 新沼猛, 北嶋洋志, 山本英一郎, 佐々木基, 須藤豪太, 甲斐正広, 時野隆至, 仲瀬裕志, 伊東文生. 慢性 B 型肝炎における miRNA 異常は核酸アナログ製剤治療後の肝がんリスクと相関する. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.
10. 石黒一也, 北嶋洋志, 新沼猛, 石田禎夫, 丸山玲緒, 池田博, 山本英一郎, 甲斐正広, 佐々木泰史, 時野隆至, 仲瀬裕志, 鈴木拓. DOT1L 阻害は IRF4-MYC シグナルの抑制を介して多発性骨髄腫細胞の増殖を抑制する. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.
11. 甲斐正広, 佐藤亜紀子, 山本英一郎, 新沼猛, 北嶋洋志, 鈴木拓. メラノーマにおけるジアシルグリセロール γ の機能解析. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.
12. 青木敬則, 山本英一郎, 高澤啓, 新沼猛, 山野泰穂, 萬頭, 北嶋洋志, 甲斐正広, 澤田典均, 仲瀬裕志, 菅井有, 鈴木拓. SMOC1 のエピジェネティックなサイレンシングは大腸鋸歯状腺腫の発育進展に関与する. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.
13. 山本英一郎, 山野泰穂, 青木敬則, 須藤豪太, 新沼猛, 甲斐正広, 佐々木泰史, 時野隆至, 菅井有, 仲瀬裕志, 鈴木拓. 大腸腫瘍の表面構造が反映する腫瘍内不均一性. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.
14. 西山廣陽, 丸山玲緒, 北嶋洋志, 新沼猛, 五十嵐友彦, 小林淳一, 荻和弘, 出張裕也, 山本英一郎, 甲斐正広, 宮崎晃亘, 時野隆至, 鈴木拓. 口腔扁平上皮癌での長鎖非コード RNA の発現及機能的スクリーニングは lnc-A の癌遺伝子としての機能を示唆する. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.

15. 新沼猛, 北嶋洋志, 山本英一郎, 佐藤淳一, 西山廣陽, 畠山柚衣, 甲斐正広, 時野隆至, 鈴木拓. UHRF1 と HDAC の阻害は大腸がん細胞においてエピジェネティックに抑制された遺伝子を再活性化させる. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.
16. 北嶋洋志, 丸山玲緒, 山本英一郎, 新沼猛, 甲斐正広, 佐々木泰史, 時野隆至, 仲瀬裕志, 鈴木拓. 慢性胃炎および胃がんに関連する長鎖 non-coding RNA の同定と機能解析. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.
17. 佐々木基, 新沼猛, 北嶋洋志, 山本英一郎, 石黒一也, 若杉英樹, 萬頭, 須藤豪太, 甲斐正広, 鈴木拓, 仲瀬裕志. 肝細胞癌における BET 阻害剤の抗腫瘍メカニズムの解析. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.
18. 進藤哲哉, 新沼猛, 西山直隆, 北嶋洋志, 甲斐正広, 丸山玲緒, 時野隆至, 舛森直哉, 鈴木拓. マイクロ RNA200b のエピジェネティックな制御による膀胱癌シスプラチン耐性化機構. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.
19. 萬頭, 山本英一郎, 沼田有斗, 新沼猛, 北嶋洋志, 甲斐正広, 須藤豪太, 黒瀬誠, 時野隆至, 仲瀬裕志, 菅井有, 鈴木拓. 大腸がんにおける腫瘍血管内皮関連遺伝子の同定. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.
20. 沼田有斗, 山本英一郎, 萬頭, 新沼猛, 杉本亮, 北嶋洋志, 甲斐正広, 青木敬則, 須藤豪太, 時野隆至, 仲瀬裕志, 菅井有, 鈴木拓. 新規大腸がん線維芽細胞関連遺伝子の同定. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.
21. 佐藤淳一, 新沼猛, 北嶋洋志, 山本英一郎, 甲斐正広, 鈴木拓. 転移性膵癌における HOXA 遺伝子座の lncRNA 発現異常. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.
22. 澤田武, 中西宏佳, 佐々木泰史, 山本英一郎, 青木敬則, 永塚真, 高橋直樹, 太田亮介, 久保田英嗣, 片岡洋望, 源利成, 菅井有, 鈴木拓. 大腸鋸歯状病変における、遺伝子変異、コピー数変化、DNA メチル化の統合解析. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.
23. 高宮里奈, 曾我朋義, 鈴木拓, 大坪和明. がん糖鎖によるがんの細胞内代謝プログラミング機構の解明. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.
24. 松下洋輔, 小松正人, 清谷一馬, 吉丸哲郎, 新沼猛, 鈴木拓, 本田純子, 井本逸勢, 丹黒章, 三好康雄, 笹三徳, 片桐豊雅. トリプルネガティブ乳癌における SALL3 の高頻度なエピジェネティックな不活化機構. 第 77 回日本癌学会学術総会. 2018 年 9 月 27~29 日, 大阪.
25. 萬頭. 大腸がん微小環境を標的とした新規治療法の開発. 第 16 回がんとハイポキシア研究会. 2018 年 11 月 9~10 日, 千葉.
26. 鈴木拓, 山本英一郎, 新沼猛, 北嶋洋志, 甲斐正広, 仲瀬裕志, 菅井有. 多発大腸腫瘍の背景粘膜におけるエピゲノム変化の意義. 第 29 回日本消化器癌発生学会総

会. 2018年11月16~17日, 東京.

27. 山本英一郎, 萬頭, 新沼猛, 須藤豪太, 久保俊之, 永塚真, 杉本亮, 菅井有, 仲瀬裕志, 鈴木拓. 新規大腸がん線維芽細胞関連遺伝子の同定. 第29回日本消化器癌発生学会総会. 2018年11月16~17日, 東京.
28. 北嶋洋志, 丸山玲緒, 山本英一郎, 新沼猛, 甲斐正広, 時野隆至, 仲瀬裕志, 鈴木拓. 胃がん発生に關与する長鎖 non-coding RNA の同定. 第41回日本分子生物学会年会. 2018年11月28日~30日, 横浜.